

**Table S1.** Uncorrected (upper half) and K2P (lower half) pairwise distance matrix among *Epizoanthus* species and *Hydrozoanthus gracilis* mitochondrial 16S ribosomal DNA (mt 16S rDNA) sequences.

	<i>E. couchii</i>	<i>E. arenaceus</i> 1	<i>E. arenaceus</i> 2	<i>E. arenaceus</i> 2	<i>E. fiordicus</i> 1	<i>E. fiordicus</i> 2	<i>E. ramosus</i>	<i>E. paguricola</i>	<i>E. illoricatus</i> 1
<i>E. couchii</i>	0.000000	0.000000	0.000000	0.000000	0.005671	0.005671	0.017193	0.026630	0.050364
<i>E. arenaceus</i> 1	0.000000	0.000000	0.000000	0.000000	0.005687	0.005687	0.017242	0.026709	0.050514
<i>E. arenaceus</i> 2	0.000000	0.000000	0.000000	0.000000	0.005655	0.005655	0.017144	0.026551	0.050216
<i>E. arenaceus</i> 3	0.000000	0.000000	0.000000	0.000000	0.005655	0.005655	0.017144	0.026551	0.050216
<i>E. fiordicus</i> 1	0.005667	0.005683	0.005651	0.005651	0.000000	0.000000	0.017144	0.026551	0.050216
<i>E. fiordicus</i> 2	0.005667	0.005683	0.005651	0.005651	0.000000	0.000000	0.017144	0.026551	0.050216
<i>E. ramosus</i>	0.017217	0.017267	0.017168	0.017168	0.017168	0.017168	0.000000	0.020569	0.038094
<i>E. paguricola</i>	0.026589	0.026668	0.026510	0.026510	0.026510	0.026510	0.020553	0.000000	0.032678
<i>E. illoricatus</i> 1	0.050599	0.050750	0.050449	0.050449	0.050449	0.050449	0.038330	0.032847	0.000000
<i>E. illoricatus</i> 2	0.050599	0.050750	0.050449	0.050449	0.050449	0.050449	0.038330	0.032847	0.000000
<i>E. illoricatus</i> 3	0.050599	0.050750	0.050449	0.050449	0.050449	0.050449	0.038330	0.032847	0.000000
EK01	0.047125	0.047264	0.046987	0.046987	0.053030	0.053030	0.047125	0.038830	0.059851
EK05	0.047125	0.047264	0.046987	0.046987	0.053030	0.053030	0.047125	0.038830	0.059851
EK07	0.014377	0.014418	0.014336	0.014336	0.014336	0.014336	0.020191	0.029613	0.053706
EK02	0.014377	0.014418	0.014336	0.014336	0.014336	0.014336	0.020191	0.029613	0.053706
EK10	0.014377	0.014418	0.014336	0.014336	0.014336	0.014336	0.020191	0.029613	0.053706
<i>H. gracilis</i>	0.229839	0.235993	0.234082	0.234082	0.237693	0.237693	0.215984	0.210708	0.213509

  

	<i>E. illoricatus</i> 2	<i>E. illoricatus</i> 3	EK01	EK05	EK07	EK02	EK10	<i>H. gracilis</i>
<i>E. couchii</i>	0.050364	0.050364	0.046890	0.046890	0.014300	0.014300	0.014300	0.227014
<i>E. arenaceus</i> 1	0.050514	0.050514	0.047028	0.047028	0.014341	0.014341	0.014341	0.232616
<i>E. arenaceus</i> 2	0.050216	0.050216	0.046753	0.046753	0.014259	0.014259	0.014259	0.230751
<i>E. arenaceus</i> 3	0.050216	0.050216	0.046753	0.046753	0.014259	0.014259	0.014259	0.230751
<i>E. fiordicus</i> 1	0.050216	0.050216	0.052808	0.052808	0.014259	0.014259	0.014259	0.234480
<i>E. fiordicus</i> 2	0.050216	0.050216	0.052808	0.052808	0.014259	0.014259	0.014259	0.234480
<i>E. ramosus</i>	0.038094	0.038094	0.046890	0.046890	0.020097	0.020097	0.020097	0.212345
<i>E. paguricola</i>	0.032678	0.032678	0.038661	0.038661	0.029560	0.029560	0.029560	0.207388
<i>E. illoricatus</i> 1	0.000000	0.000000	0.059086	0.059086	0.053277	0.053277	0.053277	0.210303
<i>E. illoricatus</i> 2	0.000000	0.000000	0.059086	0.059086	0.053277	0.053277	0.053277	0.210303
<i>E. illoricatus</i> 3	0.000000	0.000000	0.059086	0.059086	0.053277	0.053277	0.053277	0.210303
EK01	0.059851	0.059851	0.000000	0.000000	0.055853	0.055853	0.055853	0.222377
EK05	0.059851	0.059851	0.000000	0.000000	0.055853	0.055853	0.055853	0.222377
EK07	0.053706	0.053706	0.056277	0.056277	0.000000	0.000000	0.000000	0.231680
EK02	0.053706	0.053706	0.056277	0.056277	0.000000	0.000000	0.000000	0.231680
EK10	0.053706	0.053706	0.056277	0.056277	0.000000	0.000000	0.000000	0.231680
<i>H. gracilis</i>	0.213509	0.213509	0.225903	0.225903	0.236312	0.236312	0.236312	0.000000